

# Profil génétique de la chèvre mahoraise

• **Auteurs** | Audrey Rozier, CIRAD - Issoufi Oussoufi Abdallah, CAPAM - Anlidine Mkadara, CAPAM - Kamardine Mchindra, CAPAM - Emmanuel Tillard, CIRAD - Jérôme Janelle, CIRAD - Laurence Flori, INRAE

**Contact :** audrey.rozier@cirad.fr  
laurence.flori@inrae.fr

## Dispositif

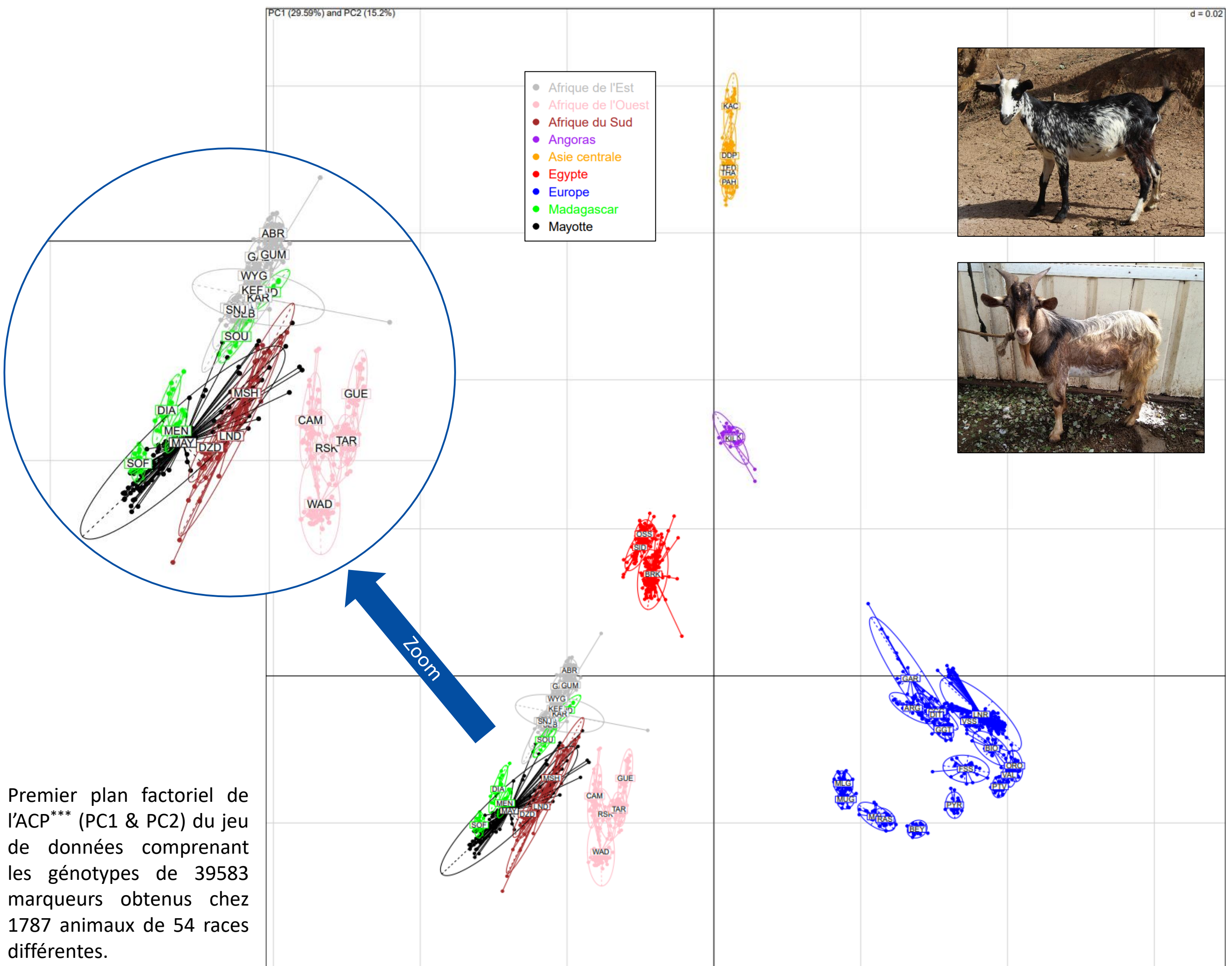
Analyse de l'ADN\* de 96 caprins

- Prise de sang sur 200 caprins
- Extraction d'ADN
- Sélection de 96 ADN caprins et génotypage sur puce SNP\*\*
- Comparaison avec les données génomiques de 53 races caprines par ACP\*\*\*
- Estimation de la consanguinité récente

## Principaux résultats

La chèvre mahoraise se distingue génétiquement de la plupart des autres races analysées

- Proche des races de Madagascar (Androy, Diana, Menabe, Sofia et Sud Ouest)
- Proche des races d'Afrique du Sud de l'Est
- Distante des races asiatiques et européennes
- Consanguinité récente (2 générations) et ancienne (8 à 32 générations) faible, consanguinité plus élevée il y a 4 générations



Premier plan factoriel de l'ACP\*\*\* (PC1 & PC2) du jeu de données comprenant les génotypes de 39583 marqueurs obtenus chez 1787 animaux de 54 races différentes.

\* Acide DesoxyriboNucléique ; \*\* Single Nucleotide Polymorphism (marqueur biallélique) ; \*\*\* Analyse en Composante Principale